

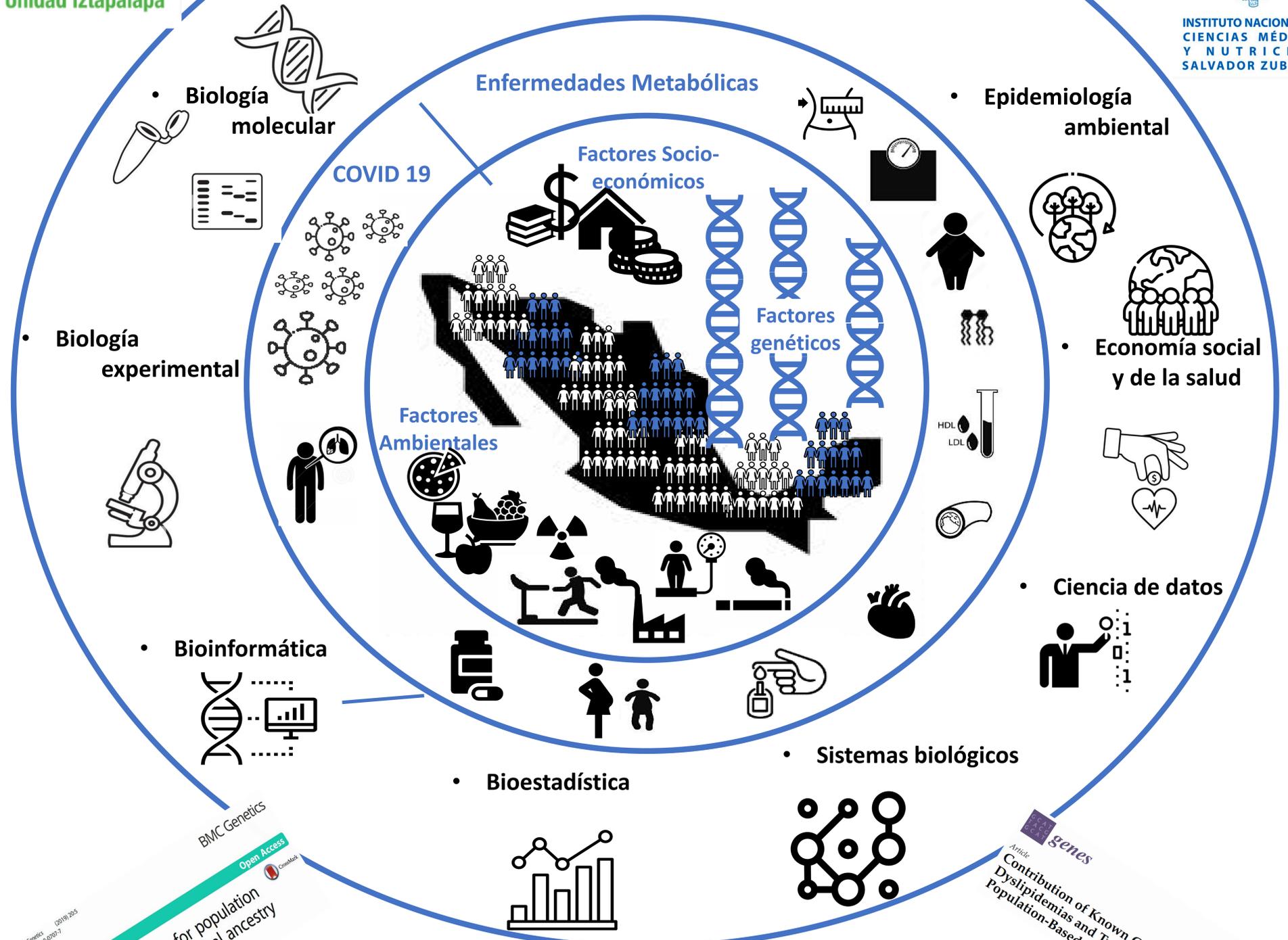
Identificación de grupos social, ambiental y genéticamente susceptibles a desarrollar enfermedades complejas.

Autores: Dra. Hortensia Moreno Macías (UAMI) hmm@xanum.uam.mx

Dra. Teresa Tusie Luna (Unidad de Biología Molecular y Medicina Genómica)



Unidad de Biología Molecular y Medicina Genómica INCMNSZ / IIB, UNAM



Metas:

- 1) Coadyuvar en las decisiones de políticas de salud pública.
- 2) Impulsar la investigación de frontera y la ciencia básica en Biología Molecular.

RESEARCH ARTICLE
A panel of 32 AIMS suitable for population stratification correction and global ancestry estimation in Mexican mestizos
BMC Genetics
Open Access
Huerta-Chapoy et al. BMC Genetics (2019) 20:5
https://doi.org/10.1186/s12851-019-00707-7

ORIGINAL RESEARCH
Metabolic Reprogramming in SARS-CoV-2 Infection Impacts the Outcome of COVID-19 Patients
frontiers
Frontiers in Immunology

Published in final edited form as:
Nature. 2014 February 6; 506(7486): 97–101. doi:10.1038/nature12828.

Sequence variants in SLC16A11 are a common risk factor for type 2 diabetes in Mexico
The SIGMA (Slim Initiative in Genomic Medicine for the Americas) Type 2 Diabetes Consortium

Original Investigation
Association of a Low-Frequency Variant in HNF1A With Type 2 Diabetes in a Latino Population
The SIGMA Type 2 Diabetes Consortium
IMPORTANCE Latino populations have one of the highest prevalences of type 2 diabetes worldwide.

Supplemental content at jama.com

El objetivo de esta línea de investigación es aplicar métodos estadísticos para evaluar los efectos socio-económicos, ambientales, y genéticos en el riesgo de desarrollar enfermedades metabólicas o COVID. A través de un convenio de investigación con el Instituto Nacional de Ciencias Médicas y Nutrición, específicamente con la Unidad de Biología Molecular y Medicina genómica, tenemos acceso a grandes bases de datos clínicos y genéticos de un número importante de pacientes y de población abierta. En el caso de diabetes tipo 2 y COVID, tenemos datos de genoma completos con imputación de tal manera que se cuenta con varios millones de variantes.

La interacción multidisciplinaria es posible porque tenemos oportunidad de proponer desde servicio social hasta tesis de maestría o doctorado en diferentes áreas tales como la biología molecular, biología experimental, bioinformática, bioestadística, epidemiología ambiental, economía social y de la salud y demás propuestas novedosas tales como la ciencia de datos y sistemas biológicos.

Los principales ejes de salud y bienestar que podemos abarcar son: Enfermedades crónicas e impacto social, Salud y desigualdad. El mecanismo de contacto es hacer un esbozo de la propuesta para proceder a agendar una cita con el equipo de la Dra. Teresa Tusie, coordinadora de la Unidad de Biología Molecular y Medicina Genómica